



Gobierno de
México

Agricultura

Secretaría de Agricultura y Desarrollo Rural



SENASICA

SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD,
INOCUIDAD Y CALIDAD AGROALIMENTARIA



Monitor Fitosanitario

31 de marzo de 2026



Monitor Fitosanitario

Contenido

España: Situación actual de <i>Lobesia botrana</i> en la Comunidad Autónoma de Castilla y León.	2
Taiwán: Secuenciación y ensamblaje genómico de <i>Fusarium oxysporum</i> f. sp. <i>cupense</i> Raza 4 Tropical y Raza 1.	3
Serbia: Nuevas cepas de <i>Pseudomonas syringae</i> pv. <i>aptata</i> que infectan al cultivo de betabel.	4



España: Situación actual de *Lobesia botrana* en la Comunidad Autónoma de Castilla y León.



Imagen: elbierzodigital.com.

El 30 de marzo de 2026, la Estación de Avisos del Bierzo (EAAB), en colaboración con el Consejo Regulador de la Denominación de Origen Bierzo, informó el inicio del vuelo de la primera generación anual de la palomilla europea de la vid (*Lobesia botrana*) en los viñedos de la comarca de El Bierzo, en la Comunidad Autónoma de Castilla y León, España.

Se indica que la detección se realizó mediante el monitoreo con trampas de feromonas distribuidas en la zona. De acuerdo con la Estación de Avisos, en la fase actual del cultivo aún no se recomienda la aplicación de tratamientos insecticidas, debido a que la vid no ha completado su brotación. No obstante, se considera oportuno implementar medidas preventivas, particularmente la instalación de sistemas de confusión sexual desde el inicio del vuelo, con el fin de interferir en la reproducción de la plaga y disminuir su incidencia durante el ciclo vegetativo.

Asimismo, se destaca que la técnica de confusión sexual es selectiva, no deja residuos en la uva y constituye una herramienta eficaz dentro de los esquemas de manejo integrado de plagas.

En el contexto nacional, *L. botrana* está incluida en la lista de Plagas Reglamentadas de México, notificada ante la Convención Internacional de Protección Fitosanitaria, y se encuentra bajo Vigilancia Epidemiológica Fitosanitaria en 14 entidades federativas.

Referencia:

Estación de Avisos Agrícolas de El Bierzo (EAAB) (30 de marzo de 2026). Detectado el vuelo de la polilla del racimo en el viñedo berciano. Recuperado de: <https://www.elbierzodigital.com/detectado-vuelo-polilla-racimo-vinedo-berciano/>



Taiwán: Secuenciación y ensamblaje genómico de *Fusarium oxysporum* f. sp. *cubense* Raza 4 Tropical y Raza 1.



El 30 de marzo de 2026, investigadores de la Universidad Nacional de Taiwán, Academia Sinica y el Instituto de Investigación del Banano de Taiwán (TBRI) dieron a conocer la secuenciación y el ensamblaje genómico de cepas de *Fusarium oxysporum* f. sp. *cubense* (Foc) correspondientes a la Raza 4 Tropical (TR4) y la Raza 1 (R1).

Se señala que se secuenciaron dos cepas aisladas en Taiwán (TR4 y R1). Para ello, se empleó una combinación de tecnologías de secuenciación de nueva generación (Illumina MiSeq) y de tercera generación (Oxford Nanopore MinION), lo que permitió obtener ensamblajes genómicos de alta calidad mediante un enfoque híbrido. Los genomas obtenidos presentan tamaños aproximados de 48.20 Mb (TR4) y 50.28 Mb (R1), con 12 cromosomas cada uno y altos niveles de completitud (~99.96%), además de identificar más de 15 mil genes codificantes de proteínas asociados a funciones metabólicas, rutas biológicas y factores de virulencia.

Los investigadores concluyen que estos recursos genómicos constituyen una base sólida para el análisis de la diversidad, evolución y mecanismos de patogenicidad de *Foc*, contribuyendo al fortalecimiento de estrategias de vigilancia fitosanitaria, al desarrollo de materiales resistentes y al manejo de la enfermedad a nivel global.

En el contexto nacional, *Foc* R4T figura en la Lista de Plagas Reglamentadas de México, notificada ante la Convención Internacional de Protección Fitosanitaria, y se encuentra bajo Vigilancia Epidemiológica Fitosanitaria en 17 entidades federativas.

Referencia:

Miss S. R., *et al.*, (30 de marzo de 2026). High Quality Draft Genome Resources of *Fusarium oxysporum* f. sp. *cubense* Tropical Race 4 and Race 1 Strains from Taiwan. *PhytoFrontiers*. Recuperado de: <https://doi.org/10.1094/PHYTOFR-12-25-0134-A>



Serbia: Nuevas cepas de *Pseudomonas syringae* pv. *aptata* que infectan al cultivo de betabel.



Psa en hojas de betabel. Créditos: Ahmed A., 2026.

El 30 de marzo de 2026, investigadores de instituciones científicas en Serbia publicaron un estudio sobre la diversidad genética de *Pseudomonas syringae* pv. *aptata* (*Psa*), agente causal de la mancha foliar bacteriana del betabel (*Beta vulgaris* L.), a partir de brotes recientes detectados en la región de Bačka (Vojvodina).

El estudio tuvo como objetivo caracterizar la diversidad de cepas de *Psa* asociadas a la enfermedad mediante análisis de perfiles de ADN (BOX-, ERIC-, M13- y GTG₅-PCR) y secuenciación multilocus (MLSA). Los resultados revelaron:

- La identificación de nuevas cepas genéticamente distintas de *Psa* en Serbia, evidenciando una diversidad mayor a la previamente reportada.
- La formación de dos grupos filogenéticos principales basados en los genes constitutivos *gltA*, *gapA* y *gyrB*, y un solo grupo basado en *rpoD*, lo que indica variabilidad genética estructural dentro del patógeno.
- La detección de una cepa representativa (*Psa*3223) que forma un grupo separado, sugiriendo la presencia de una nueva variante alélica en Serbia.
- La homogeneidad genética del resto de las cepas, estrechamente relacionadas con cepas de referencia previamente descritas (PD193 y PD197).
- Alta agresividad de las cepas recientemente aisladas en ensayos de patogenicidad en betabel (cv. Viola).

En el contexto nacional, *P. syringae* pv. *aptata* figura en la Lista de Plagas Reglamentadas de México, notificada ante la Convención Internacional de Protección Fitosanitaria.

Referencia:

Popović M. T., *et al.*, (30 de marzo de 2026). Novel Distinct Strains of *Pseudomonas syringae* pv. *aptata* Associated with Bacterial Leaf Spot of Sugar Beet in Serbia. Plant disease. Recuperado de: <https://doi.org/10.1094/PDIS-06-25-1164-SR>