



Gobierno de
México

Agricultura

Secretaría de Agricultura y Desarrollo Rural



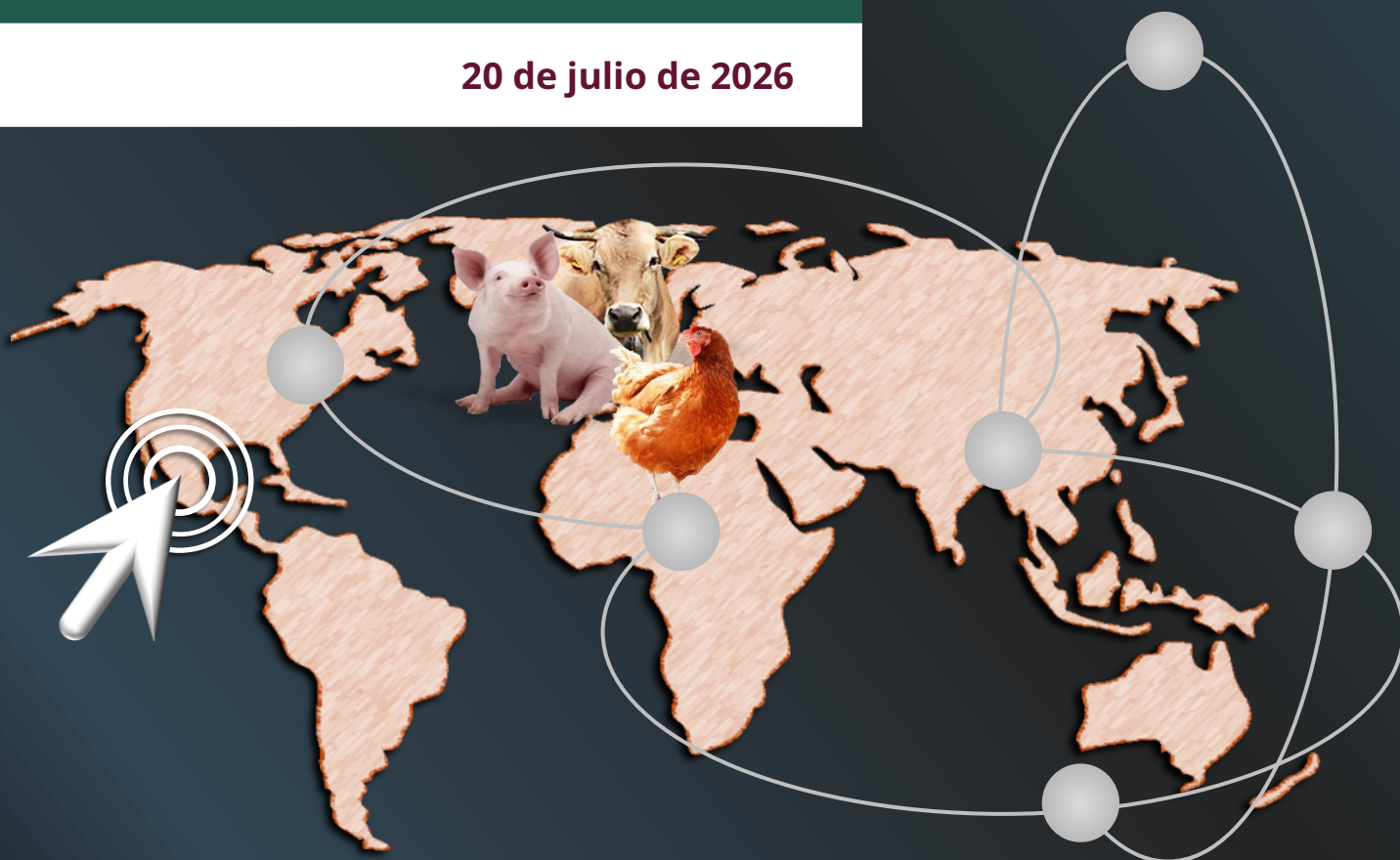
SENASICA

SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD,
INOCUIDAD Y CALIDAD AGROALIMENTARIA



Monitor Zoosanitario

20 de julio de 2026



Monitor Zoosanitario

DIRECCIÓN EN JEFE

Contenido

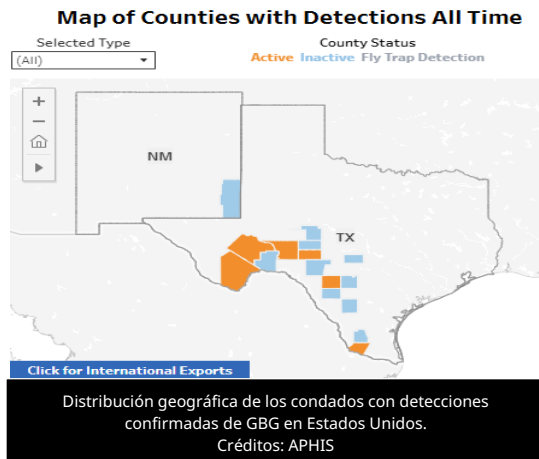
EUA: USDA registra un total de 41 detecciones de Gusano Barrenador del Ganado en Estados Unidos.	2
Nueva Zelanda: confirma un segundo caso de influenza aviar H5 en un ave silvestre.....	3
Reino Unido: Estudio identifica la transmisión entre especies como factor clave en la propagación de la Influenza Aviar de Alta Patogenicidad.....	4
Honduras: Fortalece la vigilancia sanitaria para mantener bajo control la Influenza Aviar.....	5

Monitor Zoosanitario

DIRECCIÓN EN JEFE



EUA: USDA registra un total de 41 detecciones de Gusano Barrenador del Ganado en Estados Unidos.



El Servicio de Inspección de Sanidad Animal y Vegetal (APHIS) del Departamento de Agricultura de los Estados Unidos (USDA) informó, a través de su tablero de detecciones confirmadas de Gusano Barrenador del Ganado (GBG), que con corte al 19 de julio de 2026 se han confirmado 41 casos en animales domésticos desde el inicio del evento sanitario en junio de 2026, de los cuales 12 permanecen activos y 29 inactivos. Asimismo, indicó que no se han registrado casos en fauna silvestre o feral ni detecciones de moscas silvestres en trampas de vigilancia.

De acuerdo con la información publicada por el APHIS, las detecciones se concentran en dos estados: Texas y Nuevo México, y corresponden exclusivamente a animales domésticos. Las detecciones más recientes reportadas corresponden al 18 de julio de 2026, en un ovino del condado de Schleicher y un bovino del condado de Starr, Texas.

Asimismo, el APHIS señaló que el tablero registra información detallada de cada caso, incluyendo el estado y condado de detección, la fecha de confirmación, el tipo y especie animal afectada, así como el estatus de cada evento.

Los casos activos corresponden a animales que aún se encuentran en tratamiento y sujetos a las medidas de control implementadas. En cambio, los casos inactivos incluyen a aquellos animales que ya se recuperaron o en los que finalizaron las acciones sanitarias. Sin embargo, se precisó que la reclasificación de un caso como inactivo no significa el levantamiento automático de las zonas infestadas, ya que estas permanecerán bajo restricción hasta que se cumplan los criterios sanitarios establecidos.

Referencia: Servicio de Inspección de Sanidad Animal y Vegetal (APHIS). (19 de julio de 2026). Confirmed Detections of New World Screwworm.

Recuperado de: <https://www.aphis.usda.gov/animals/animal-health/livestock-and-poultry-disease/current-status/us-confirmed-cases-new-world>



Nueva Zelanda: confirma un segundo caso de influenza aviar H5 en un ave silvestre.



Imagen representativa de la especie involucrada.
Créditos: <https://www.istockphoto.com/>

El 20 de julio, el Ministerio de Industrias Primarias (MPI) de Nueva Zelanda informó la confirmación de un segundo caso de influenza aviar H5 en un ave silvestre, un halcón de pantano (Kāhu) hallado en la región de Wairarapa, y anunció el fortalecimiento de las acciones de vigilancia y respuesta, al tiempo que reiteró que no se han detectado casos en aves de corral.

Entre las medidas destacan el incremento de la vigilancia en aves silvestres, el apoyo técnico y de bioseguridad a productores avícolas y de huevo, la conformación de un grupo de expertos y la ampliación del programa de vacunación para aves nativas amenazadas encabezado por el Departamento de Conservación (DOC).

Las autoridades señalaron que la carne de pollo y los huevos siguen siendo seguros para el consumo, que el riesgo para la salud humana es muy bajo y exhortaron a la población a no manipular aves enfermas o muertas y a reportarlas a las autoridades competentes.



Reino Unido: Estudio identifica la transmisión entre especies como factor clave en la propagación de la Influenza Aviar de Alta Patogenicidad.



Imagen representativa de la especie involucrada.
Créditos: <https://www.istockphoto.com/>

El 6 de julio de 2026, la revista científica *Journal of Animal Ecology* publicó un estudio que analizó la transmisión de la Influenza Aviar de Alta Patogenicidad (IAAP) H5N1 en alcatraces del Atlántico Norte (*Morus bassanus*), identificando que el contagio entre distintas especies de aves marinas desempeñó un papel determinante en la propagación del virus y contribuyó a una mortalidad estimada del 28% de la población reproductora durante el brote de 2022.

Los resultados mostraron que las cepas circulantes presentaron alta transmisibilidad y virulencia, con una conectividad epidemiológica entre colonias que disminuyó con la distancia, mientras que las fuentes externas de infección, probablemente otras especies de aves marinas, explicaron el inicio de numerosos brotes en colonias remotas. Asimismo, los autores estimaron un número básico de reproducción (R_0) de 2.03 y una mortalidad semanal del 70% en las aves infectadas.

La investigación empleó un modelo epidemiológico de metapoblaciones basado en registros de mortalidad de alcatraces recopilados en 43 colonias reproductoras del Atlántico Nororiental, integrando datos de cadáveres, tamaños poblacionales y parámetros epidemiológicos para reconstruir la dinámica espacio-temporal del brote y diferenciar la transmisión dentro de las colonias, entre colonias y desde fuentes externas.

Los autores concluyeron que los datos de mortalidad en fauna silvestre constituyen una herramienta útil para la vigilancia epidemiológica y la detección temprana de brotes a gran escala, por lo que recomendaron fortalecer la integración de las especies coloniales en los sistemas de vigilancia de influenza aviar mediante un enfoque de Una Salud, con el fin de mejorar la preparación frente a futuras epizootias y reducir el riesgo de transmisión hacia aves domésticas y otros hospedadores.

Referencia: Matthiopoulos, J., Votier, S., Wanless, S., Cunningham, E., Lane, J.V y Jeglinski, J.W.E (2026). El contagio entre especies impulsa la transmisión de la influenza aviar de alta patogenicidad y la mortalidad masiva en aves marinas. *Journal of Animal Ecology*, 00, 1–16. <https://doi.org/10.1111/1365-2656.70305>

Recuperado de: <https://besjournals.onlinelibrary.wiley.com/doi/full/10.1111/1365-2656.70305>



Honduras: Fortalece la vigilancia sanitaria para mantener bajo control la Influenza Aviar.



Imagen representativa de la especie afectada.
Créditos: <https://www.istockphoto.com/>

El 17 de julio de 2026, la Secretaría de Agricultura y Ganadería (SAG), a través del Servicio Nacional de Sanidad e Inocuidad Agroalimentaria (SENASA) de Honduras, informó que continúa fortaleciendo la vigilancia epidemiológica y las medidas de bioseguridad para mantener bajo control la Influenza Aviar de Alta Patogenicidad (IAAP), sin que hasta la fecha se hayan registrado nuevos casos en granjas comerciales.

Las autoridades señalaron que, tras la detección inicial de casos en aves silvestres y posteriormente en aves domésticas, se activaron los protocolos de respuesta sanitaria, intensificando las inspecciones, el monitoreo epidemiológico y las acciones preventivas en las unidades de producción avícola. Asimismo, indicaron que la incidencia de la enfermedad en aves silvestres ha disminuido durante las últimas semanas, lo que permitirá avanzar hacia el cierre de los casos activos y la recuperación del estatus sanitario.

Como parte de la estrategia de control, el SENASA mantiene una coordinación permanente con la Federación Nacional de Avicultores de Honduras (FEDAVIH), la Asociación Nacional de Avicultores de Honduras (ANAVIH), el Organismo Internacional Regional de Sanidad Agropecuaria (OIRSA) y la Organización de las Naciones Unidas para la Alimentación y la Agricultura (FAO), con el propósito de fortalecer la vigilancia, la prevención y la capacidad de respuesta ante la enfermedad.

Las autoridades indicaron que la emergencia sanitaria por influenza aviar permanecerá vigente durante 180 días, periodo en el que continuarán los muestreos, inspecciones y verificaciones del cumplimiento de las medidas de bioseguridad, con el objetivo de proteger la sanidad avícola, garantizar el abastecimiento de alimentos y fortalecer la competitividad del sector.

Referencia: Secretaría de Agricultura y Ganadería (SAG). (17 de julio de 2026). Senasa fortalece la vigilancia sanitaria para mantener bajo control la influenza aviar.

Recuperado de: <https://prensa.sag.gob.hn/2026/07/17/senasa-fortalece-la-vigilancia-sanitaria-para-mantener-bajo-control-la-influenza-aviar/>



Gobierno de
México

Agricultura

Secretaría de Agricultura y Desarrollo Rural



SENASICA

SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD,
INOCUIDAD Y CALIDAD AGROALIMENTARIA



Monitor Peste Porcina Africana

20 de julio de 2026



Monitor de Peste Porcina Africana

DIRECCIÓN EN JEFE

Contenido

Croacia: Confirma cinco nuevos brotes de Peste Porcina Africana.	2
Hungría: Investigación evalúa el impacto del manejo de la Peste Porcina Africana en la diversidad genética de jabalís.	3
EUA: Estudio analiza el impacto de las cepas recombinantes de la Peste Porcina Africana en las estrategias de control en Asia-Pacífico.	4

Monitor de Peste Porcina Africana

DIRECCIÓN EN JEFE



Croacia: Confirma cinco nuevos brotes de Peste Porcina Africana.



Imagen representativa de la especie involucrada.
Créditos: <https://www.istockphoto.com/>

El día 20 de julio el Ministerio de Agricultura, Silvicultura y Pesca informó que se confirmaron cinco nuevos brotes de peste porcina africana (PPA) en explotaciones porcinas del condado de Osijek-Baranja, ubicados en los asentamientos de Beljevina, Bokšić, Krčevina y Bokšić Lug, municipio de Đurđenovac. Con estas detecciones, el número de brotes registrados en explotaciones porcinas durante 2026 ascendió a 94.

La autoridad sanitaria señaló que, de los 94 brotes confirmados, 49 corresponden al condado de Osijek-Baranja y 45 al condado de Virovitica-Podravina. Asimismo, indicó que se han confirmado 184 casos de PPA en jabalíes, de los cuales 181 se localizaron en Osijek-Baranja, dos en Vukovar-Srijem y uno en Virovitica-Podravina.

El Ministerio informó que, como parte de las acciones para controlar y prevenir la propagación de la enfermedad, alrededor de 3,500 cerdos han muerto en los condados de Osijek-Baranja y Virovitica-Podravina. Además, advirtió que el principal foco de la enfermedad se concentra en la parte occidental de Osijek-Baranja y la oriental de Virovitica-Podravina, aunque la detección de nuevos casos en los municipios de Draž y Drenje evidencia la expansión del virus hacia otras zonas del condado de Osijek-Baranja.

Finalmente, la dependencia reiteró que mantiene la aplicación de las medidas de vigilancia y control en coordinación con las autoridades competentes, e instó a los productores porcos a reforzar las medidas de bioseguridad, notificar de inmediato cualquier sospecha de la enfermedad y cumplir las disposiciones sanitarias para contener la propagación de la PPA.

Referencia: Ministerio de Agricultura, silvicultura y pesca (20 de julio de 2026). Afrička svinjska kuga – stanje na dan 20. srpnja 2026. u 13 sati.

Recuperado de: <https://poljoprivreda.gov.hr/vijesti/afrička-svinjska-kuga-stanje-na-dan-20-srpnja-2026-u-13-sati/8389>

Monitor de Peste Porcina Africana

DIRECCIÓN EN JEFE

Hungría: Investigación evalúa el impacto del manejo de la Peste Porcina Africana en la diversidad genética de jabalís.



Imagen representativa de la especie involucrada.
Créditos: <https://www.istockphoto.com/>

El 14 de julio de 2026, la plataforma científica *Preprints* publicó un estudio que evaluó los cambios genéticos poblacionales en jabalís (*Sus scrofa*) del norte de Hungría tras varios años de mortalidad y medidas de manejo asociadas a la Peste Porcina Africana (PPA), identificando una disminución de la diversidad genética y una diferenciación significativa entre las poblaciones analizadas antes y después de la introducción de la enfermedad.

Los resultados mostraron que la población posterior a la introducción de la PPA presentó una menor riqueza alélica, reducción en el número de alelos y ligeras disminuciones en la heterocigosidad observada y esperada. Asimismo, se detectaron cambios en la estructura genética de la población, aunque no se encontró evidencia de un cuello de botella genético reciente.

La investigación comparó muestras recolectadas antes de la aparición de la PPA en Hungría, en 2018, con muestras obtenidas en 2025, utilizando 13 marcadores microsatélite para evaluar la diversidad genética, la estructura poblacional, la historia demográfica y el desempeño de herramientas genéticas empleadas en la identificación individual de jabalís.

Los autores concluyeron que la mortalidad y las medidas de manejo implementadas durante varios años coincidieron con cambios detectables en la composición genética de la población, aunque las herramientas forenses basadas en marcadores microsatélite conservaron una capacidad adecuada para la identificación individual. No obstante, señalaron que no es posible atribuir estos cambios exclusivamente a la PPA o a las medidas de control, ya que también podrían estar influenciados por procesos naturales como la deriva genética y la migración.

Referencia: Molnár, L., Stéger, V., & Zenke, P. (2026). Population genetic Changes Associated with Long-Term African Swine Fever-Related Management in a Wild Boar (*Sus scrofa*) Population from Northern Hungary. *Preprints*. <https://doi.org/10.20944/preprints202607.1005.v1>

Recuperado de: <https://www.preprints.org/manuscript/202607.1005>

Monitor de Peste Porcina Africana

DIRECCIÓN EN JEFE



EUA: Estudio analiza el impacto de las cepas recombinantes de la Peste Porcina Africana en las estrategias de control en Asia-Pacífico.



Imagen representativa de la especie involucrada.
Créditos: <https://www.istockphoto.com/>

El 15 de julio de 2026, la revista científica *Frontiers in Veterinary Science* publicó una revisión que documentó la emergencia y rápida expansión de cepas recombinantes del virus de la Peste Porcina Africana (PPA) de genotipo I/II en la región Asia-Pacífico, advirtiendo que estas variantes representan un desafío para las estrategias actuales de vigilancia, diagnóstico y vacunación debido a su alta virulencia y capacidad de propagación.

La revisión identificó que las cepas recombinantes, detectadas inicialmente en China en 2021, se han propagado a Vietnam, Rusia y Taiwán, presentan una identidad genética superior al 99.9% y muestran una elevada letalidad, además de que las vacunas desarrolladas contra el genotipo II ofrecen una protección limitada frente a estas variantes. Asimismo, señaló que las pruebas diagnósticas basadas únicamente en el genotipo II pueden subestimar o clasificar erróneamente las infecciones.

La investigación se desarrolló mediante una revisión de alcance siguiendo la metodología PRISMA-ScR, integrando evidencia científica y literatura gris publicada entre 2021 y 2025 procedente de China, Vietnam, Rusia y Taiwán, con el objetivo de caracterizar la epidemiología, la arquitectura genómica, la patogenicidad y las implicaciones para el control de las cepas recombinantes del virus de la PPA.

Los autores concluyeron que es necesario fortalecer la vigilancia genómica mediante secuenciación completa del genoma, actualizar las plataformas diagnósticas, evaluar vacunas con protección frente a cepas recombinantes e incorporar la vigilancia en jabalís y otros componentes del ciclo silvestre dentro de un enfoque de Una Salud para contener la propagación de estas variantes en la región Asia-Pacífico.

Referencia: Hsu, J. C.-H., Schambow, R. A., Huang, Y.-L., Chuong, V. D., Humphreys, J. M., & Perez, A. M. (2026). The evolving landscape of African swine fever: the game-changing impact of recombinant genotype I/II on Asia-Pacific control strategies. *Frontiers in Veterinary Science*, 13, 1855026. <https://doi.org/10.3389/fvets.2026.1855026>

Recuperado de:

https://www.frontiersin.org/journals/veterinary-science/articles/10.3389/fvets.2026.1855026/full?utm_source=twitter&utm_medium=social&utm_content=&utm_campaign=imp_impactaut-05-24_fvets_en_n-ww