



Gobierno de
México

Agricultura

Secretaría de Agricultura y Desarrollo Rural



SENASICA

SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD,
INOCUIDAD Y CALIDAD AGROALIMENTARIA



Monitor Fitosanitario

24 de septiembre de 2025



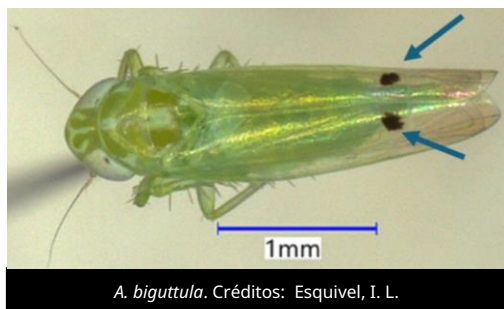
Monitor Fitosanitario

Contenido

EE.UU.: Primer reporte académico de la chicharrita del algodón (<i>Amrasca biguttula</i>) en Carolina del Norte.....	2
Internacional: Análisis de datos genómicos revela posibles nuevas especies, áreas infectadas y hospedantes de <i>Xylella</i> spp.	3
Portugal: Nuevas detecciones y cuarentena de <i>Xylella fastidiosa</i> en la región Centro (distrito de Castelo Branco).....	4
Venezuela: IDEA evalúa la resistencia de genotipos de musáceas a <i>Foc</i> R4T y otros fitopatógenos.	5



EE.UU.: Primer reporte académico de la chicharrita del algodón (*Amrasca biguttula*) en Carolina del Norte.



El 23 de septiembre de 2025, Extensión Cooperativa de Carolina del Norte (NCSE) informó la primera detección de la chicharrita del algodón (*Amrasca biguttula*) en dicho estado de EE.UU., infestando algodón y okra en los condados de Robeson y Scotland.

Se refiere que *A. biguttula* se reportó por primera vez en EE. UU. en 2024, en Florida, de donde se ha dispersado rápidamente por el sureste; en 2025, se reportó en Florida, Georgia, Alabama, Carolina del Sur y, ahora, en Carolina del Norte.

En el primer caso (condado de Robeson), se identificaron tanto adultos como inmaduros de *A. biguttula* en un cultivo de algodón que ya había pasado por la etapa fenológica de mayor susceptibilidad a la plaga (tenía cápsulas abiertas en la base de la planta); los insectos y sus daños típicos (enrollamiento y amarillamiento foliar) fueron localizados con facilidad en el campo, pese a que se limitaron a unas pocas plantas y hojas; posteriormente, el insecto también se encontró en el cultivo de okra. En el caso del condado de Scotland, se hallaron pocas ninfas de *A. biguttula* en un campo de algodón sin signos evidentes de afectación.

Se destaca que los modelos de idoneidad del hábitat sugieren que la región de las llanuras costeras atlánticas del sureste presenta el mayor riesgo de presencia de la plaga. La mayoría de las detecciones hasta la fecha se han realizado en esta ecorregión, donde el cultivo de algodón es más común y, por lo tanto, los muestreos del insecto han sido más intensivos.

En el contexto nacional, *A. biguttula* (Hemiptera: Cicadellidae) figura en la Lista de Plagas Reglamentadas de México, notificada ante la Convención Internacional de Protección Fitosanitaria. Su gama de hospedantes incluye plantas de las familias Solanaceae, Fabaceae, Malvaceae y Asteraceae.

Referencia: Extensión Cooperativa de Carolina del Norte (NCSE) (23 de septiembre de 2025). Cotton Jassid Leafhopper Reported on Okra in NC. Recuperado de: <https://entomology.ces.ncsu.edu/2025/09/cotton-jassid-leafhopper-reported-on-okra-in-nc/>

<https://cotton.ces.ncsu.edu/2025/09/invasive-cotton-jassid-arrives-in-north-carolina-cotton/>



Internacional: Análisis de datos genómicos revela posibles nuevas especies, áreas infectadas y hospedantes de *Xylella* spp.



Imagen: Vinetur.

El 23 de septiembre de 2025, investigadores de la Universidad de Angers (Francia) publicaron un análisis de minería de datos del Archivo de Lectura de Secuencias Genómicas (SRA) del Centro Nacional de Información Biotecnológica (NCBI), sobre *Xylella* spp.

El estudio tuvo como objetivo investigar si *X. fastidiosa* y *X. taiwanensis* (reportada previamente sólo en Taiwán) ya están presentes en otras partes del mundo, posiblemente en especies hospedantes no reconocidas.

Por lo anterior, se realizó un análisis exhaustivo de minería de datos de secuencias sin procesar disponibles en el SRA del NCBI, lo que condujo a la identificación de 62 conjuntos de datos de diversas muestras de plantas e insectos de todo el mundo, así como al ensamblaje preliminar del genoma de *Xylella* spp. Los resultados revelaron varias posibles nuevas plantas hospedantes y áreas infectadas por la bacteria en América, África y el Sureste de Asia. Además, los genomas recién ensamblados representan varias cepas nuevas de *X. fastidiosa* y *X. taiwanensis*, así como una especie adicional de *Xylella* que infecta arroz silvestre (para la cual se propone el nombre de *X. rufipogonis*).

Se destaca que, en conjunto, el trabajo amplía el conocimiento sobre la diversidad genética, el rango de hospedantes y la distribución global del género *Xylella*, aportando información valiosa para orientar los programas de vigilancia hacia nuevas regiones y especies vegetales.

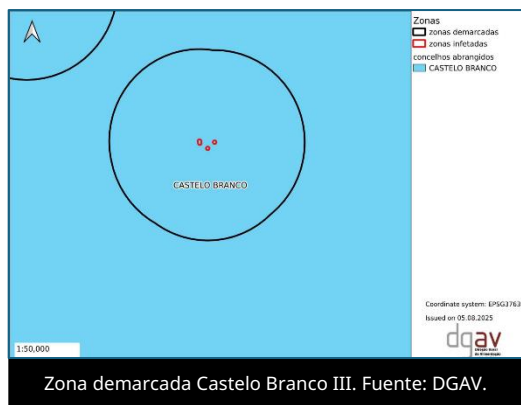
En el contexto nacional, *X. fastidiosa* figura en la Lista de Plagas Reglamentadas de México, notificada ante la Convención Internacional de Protección Fitosanitaria, y se encuentra bajo Vigilancia Epidemiológica Fitosanitaria en 30 entidades federativas.

Referencia: Briand, M. *et al.* (6 de septiembre de 2025). The hidden life of *Xylella*: mining the NCBI Sequence Read Archive reveals potential new species, host plants, and infected areas for this elusive bacterial plant pathogen. Applied and Environmental Microbiology. Recuperado de: <https://doi.org/10.1128/aem.00913-25>

<https://www.researchgate.net/publication/395658960> The hidden life of *Xylella* mining the NCBI Sequence Read Archive reveals potential new species host plants and infected areas for this elusive bacterial plant pathogen



Portugal: Nuevas detecciones y cuarentena de *Xylella fastidiosa* en la región Centro (distrito de Castelo Branco).



Zona demarcada Castelo Branco III. Fuente: DGAV.

A través de la Orden No. 22/G/2025 (septiembre de 2025), la Dirección General de Alimentación y Veterinaria de Portugal (DGAV) notificó nuevas detecciones de la bacteria fitopatógena *Xylella fastidiosa* en la región Centro del territorio de dicho país.

Se señala que, tras el hallazgo de *X. fastidiosa* (plaga cuarentenaria en Portugal) en un insecto vector, en un área libre del fitopatógeno, se implementaron acciones de prospección en un radio de 400 m alrededor del sitio de la detección.

Derivado de lo anterior, se confirmó la presencia de la bacteria en cinco muestras vegetales colectadas en la parroquia de Póvoa de Rio de Moinhos (municipio de Castelo Branco, distrito homónimo), por lo que se estableció una nueva área demarcada (denominada Castelo Branco III), así como las medidas fitosanitarias aplicables para la erradicación del fitopatógeno. Las plantas infectadas corresponden a *Adenocarpus* sp. y *Cytisus* sp. Aún no se identifica la subespecie de la bacteria.

El área demarcada cubre parcialmente las parroquias de Lardosa, Ninho Do Açor, Póvoa De Rio De Moinhos y Tinalhas, en el municipio de Castelo Branco.

En el contexto nacional, *X. fastidiosa* figura en la Lista de Plagas Reglamentadas de México, notificada ante la Convención Internacional de Protección Fitosanitaria, y se encuentra bajo Vigilancia Epidemiológica Fitosanitaria en 30 entidades federativas.

Referencia:

Dirección General de Alimentación y Veterinaria de Portugal (DGAV) (septiembre de 2025). DESPACHO N.º 122/G/2025; Assunto: Estabelecimento da Zona Demarcada para *Xylella fastidiosa* em Castelo Branco denominada Castelo Branco III. Recuperado de: https://www.dgav.pt/wp-content/uploads/2025/08/Despacho-122_-Castelo-Branco-III.pdf
<https://www.dgav.pt/destaques/noticias/xylella-fastidiosa-nova-zona-demarcada-de-castelo-branco-iii/>



Venezuela: IDEA evalúa la resistencia de genotipos de musáceas a *Foc* R4T y otros fitopatógenos.



El 23 de septiembre de 2025, el Ministerio del Poder Popular para Ciencia y Tecnología de Venezuela (MINCYT) informó que, investigadores de la Fundación Instituto de Estudios Avanzados (IDEA) y productores del estado Aragua, desarrollan ensayos para evaluar la resistencia de materiales de musáceas a distintos fitopatógenos.

Lo anterior, con la aplicación de herramientas biotecnológicas y técnicas de cultivo de tejidos vegetales, en el marco del proyecto ‘Evaluación de genotipos radioinducidos de musáceas para la tolerancia a enfermedades de importancia económica en zonas productoras’. Los fitopatógenos considerados incluyen: *Fusarium oxysporum* f. sp. *cubense* Raza 4 Tropical (*Foc* R4T), sigatoka y moko del plátano. Esta investigación tiene como objetivos la multiplicación *in vitro* de plantas de musáceas a partir de yemas apicales y la inducción de variabilidad mediante el uso pacífico de radiaciones ionizantes (Co^{60}).

Se precisa que, actualmente, se cuenta con una parcela experimental en la finca Los Rosales (ubicada en el municipio de José Ángel Lamas, estado de Aragua), la cual consta de 150 plantas de musáceas tipo Pineo Gigante, radioinducidas (plantas irradiadas que tienen cuatro generaciones *in vitro*). En campo se evalúa la afectación de los fitopatógenos, además de variables como rendimiento, altura de la planta, peso del racimo, número de manos por racimo, fechas de floración y comportamiento del cultivo en general.

En el contexto nacional, *Foc* R4T figura en la Lista de Plagas Reglamentadas de México, notificada ante la Convención Internacional de Protección Fitosanitaria, y se encuentra bajo Vigilancia Epidemiológica Fitosanitaria en 17 entidades federativas.

Referencia: Ministerio del Poder Popular para Ciencia y Tecnología de Venezuela (MINCYT) (23 de septiembre de 2025). Productores aragüeños e investigadores del IDEA evalúan genotipos radioinducidos de musáceas tolerantes a enfermedades. Recuperado de: <https://mincyt.gob.ve/productores-araguenos-e-investigadores-del-idea-evaluan-genotipos-radioinducidos-de-musaceas-tolerantes-a-enfermedades/>