



AGRICULTURA
SECRETARÍA DE AGRICULTURA Y DESARROLLO RURAL



SENASICA
SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD,
INOCUIDAD Y CALIDAD AGROALIMENTARIA



10 de Mayo de 2021



Monitor Zoonosario

Contenido

Alemania: Casos de Influenza Aviar de Alta Patogenicidad (H5N8) en el estado de Niedersachsen.....	2
Alemania: Reporte de 967 casos de Peste Porcina Africana en Brandeburgo.	3
EUA: Un estudio prevé que puedan existir más saltos zoonóticos del coronavirus.....	4



DIRECCIÓN DE SISTEMATIZACIÓN Y ANÁLISIS SANITARIO



Alemania: Casos de Influenza Aviar de Alta Patogenicidad (H5N8) en el estado de Niedersachsen.



Imagen representativa de las especies afectadas
<https://garden-fr.desiguxpro.com/wp->

El Ministerio Federal de Alimentación y Agricultura de Alemania, realizó un reporte de seguimiento ante la Organización Mundial de Sanidad Animal (OIE), sobre nuevos casos de Influenza Aviar de Alta Patogenicidad (H5N8). Los cuales se ubicaron en diversas explotaciones de pavos y gallinas ponedoras en el estado de Niedersachsen.

En el informe se reportó que hubieron 29 mil 329 aves susceptibles, 9 mil 161 casos, 398 animales muertos y 36 mil 441 tuvieron que ser sacrificados para prevenir la propagación de la enfermedad, asimismo, se comenta que el evento sigue en curso.

El agente patógeno fue identificado, por el laboratorio del Instituto Friedrich-Loeffler mediante pruebas de Reacción en cadena de la polimerasa (PCR).

Esta enfermedad está considerada en el grupo 1 del ACUERDO mediante el cual se dan a conocer en los Estados Unidos Mexicanos las enfermedades y plagas exóticas y endémicas de notificación obligatoria de los animales terrestres y acuáticos (DOF 29/11/2018), asimismo, de acuerdo con la Ventanilla Única de Comercio Exterior Mexicana (VUCEM) durante el 2021, no se han reportado importaciones de origen avícola de este país.

Referencia: Organización Mundial de Sanidad Animal (OIE) (10 de mayo de 2021) Alemania, Influenza Aviar de Alta Patogenicidad (H5N8). Recuperado de: <https://wahis.oie.int/#/report-info?reportId=32991>

ZOOTECNIA 146



DIRECCIÓN DE SISTEMATIZACIÓN Y ANÁLISIS SANITARIO

Alemania: Reporte de 967 casos de Peste Porcina Africana en Brandeburgo.



Imagen representativa de la especie afectada
https://msgiv.brandenburg.de/sixcms/media.php/9/COLORBBO_X_38667233_Fotograf_Volodymyr_Burdiak_1x2.jpg

Recientemente, el Ministerio de Asuntos Sociales, Sanidad, Integración y Protección del Consumidor del Estado de Brandeburgo (MSGIV) de Alemania, actualizó el seguimiento de los casos de Peste Porcina Africana (PPA) en donde se informó un total de 967 casos, de los cuales 74 han sido detectados en el Distrito de Spree-Neisse, 558 en el Distrito de Oder-Spree, 241 en el Distrito de Märkisch-

Oderland, 70 en el Distrito de Dahme-Spreewald y 24 en la ciudad Fráncfort del Óder.

De lo anterior, en la zonas de detección, se instaló y cercó un área central con un radio de 20 a 25 kilómetros desde Fráncfort del Óder hasta la frontera con Polonia; asimismo, se establecieron medidas de prevención para evitar que la enfermedad se propague en el país, entre las cuales se menciona la inspección de vehículos dentro y fuera del área central por el control veterinario y alimentario, y se prohibió la entrada al bosque y campo abierto a civiles, exceptuando a los cazadores de jabalíes. De igual manera, se dará apoyo en la búsqueda de jabalíes muertos dentro del área infectada.

Con el fin de prevenir que la PPA se siga expandiendo por el estado, por último, se comentó que se ha aumentado la zona de cacería en los distritos de Uckermark, Barnim, Märkisch-Oderland, Oder-Spree, Dahme-Spreewald, Oberspreewald-Lausitz y en las ciudades independientes de Fráncfort del Óder y Cottbus para así reducir la población de jabalíes en la zona, a los ejemplares se les realizará un etiquetado y análisis de muestras para tener un seguimiento adecuado y preciso del control de la enfermedad.

Referencia: Ministerio de Asuntos Sociales, Sanidad, Integración y Protección del Consumidor del Estado de Brandeburgo (MSGIV) (10 de mayo de 2021) Peste porcina africana. Recuperado de: <https://msgiv.brandenburg.de/msgiv/de/themen/verbraucherschutz/veterinaerwesen/tierseuchen/afrikanische-schweinepest/>

ZOOT/2023/06/05/052021



DIRECCIÓN DE SISTEMATIZACIÓN Y ANÁLISIS SANITARIO



EUA: Un estudio prevé que puedan existir más saltos zoonóticos del coronavirus



Micrografía electrónica de tándido de partículas de Covid-19 en células apoptóticas. (2020). National Institutes of Health. Science Photo Library.

Recientemente, el Departamento de Bioinformática y Genómica de la Universidad de Carolina del Norte, publicó un estudio en la revista científica *Cladistics Journal Citation Reports*, el cual abarcó la evolución desde el Coronavirus del Síndrome Respiratorio Agudo Severo (SARS-CoV) que surgió en humanos en 2002, y la variante SARS-CoV-2, la cual fue descubierta en 2019 y ha provocado una gran pandemia.

El objetivo, fue analizar todas las suposiciones sobre los orígenes del huésped y recombinantes de los coronavirus, con especial énfasis en los linajes de *Betacoronavirus* que causan enfermedades graves en los seres humanos como el SARS-CoV, MERS-CoV y SARS-CoV-2, por lo cual se realizaron muestras taxonómicas completas de los virus, de tal manera que se pudieran examinar diferentes escenarios, incluidos los orígenes de los linajes virales con más de un huésped.

Como resultado, se obtuvo que los murciélagos han sido los huéspedes más viejos de los coronavirus que también infectan humanos, en el caso del SARS-CoV y del SARS-CoV-2, se determinó que las infecciones son primordialmente por el consumo o contacto con murciélagos portadores del virus. De igual manera, determinó que los animales susceptibles a este tipo de virus, son visones, civetas, perros, gatos, entre otros.

Por último, los investigadores señalaron que la transmisión de coronavirus de animales a humanos se produce de forma episódica, por lo que se puede prever que ocurran más saltos zoonóticos de coronavirus.

A manera de conclusión, detallan que se deben continuar investigando la evolución y epidemiológica de los virus en los animales y su transmisión hacia los humanos de forma continua para prevenir futuras enfermedades.

Referencia: Wiley Online Library (26 de abril de 2021) Jacob M., Rachel S., Daniel A. Fundamental evolution of all Orthocoronavirinae including three deadly lineages descendent from Chiroptera-hosted coronaviruses: SARS-CoV, MERS-CoV and SARS-CoV-2 (2021). Recuperado de: <https://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1111/cia.12454>

DOI: 10.22103/1001.2021.1001