



AGRICULTURA
SECRETARÍA DE AGRICULTURA Y DESARROLLO RURAL



SENASICA
SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD,
INOCUIDAD Y CALIDAD AGROALIMENTARIA

Monitor de Inocuidad Agroalimentaria



21 de junio de 2021



Monitor de Inocuidad Agroalimentario

Contenido

Reino Unido: Se ha duplicado el número de personas enfermas por un brote de *Salmonella* spp. relacionado con melones..... 2

Dinamarca: Vigilancia mediante la secuenciación del genoma completo de *Campylobacter*..... 3



DIRECCIÓN DE SISTEMATIZACIÓN Y ANÁLISIS SANITARIO



Reino Unido: Se ha duplicado el número de personas enfermas por un brote de *Salmonella* spp. relacionado con melones.



Rocky Mountain Laboratories (2002), *Bacteria Salmonella*.

Recientemente, la Agencia de Normas Alimentarias (FSA) comunicó que, de manera coordinada, con la institución de la Salud Pública de Inglaterra (PHE) están investigando los casos de infección de 99 personas desde abril causados por *Salmonella* spp., posiblemente vinculados con el consumo de melones.

Informan que, las investigaciones se centran en la cadena de suministro de melones galia, cantaloupe y honeydew importados

de Honduras y Costa Rica.

Inicialmente, la FSA advirtió sobre el consumo de melones enteros de Brasil, pero investigaciones posteriores, incluido el análisis de la cadena alimentaria y las pruebas, han demostrado que es poco probable que se trate de productos de Brasil.

Fuente: Food Standards Agency (FSA). (17 de junio de 2021). Update: FSA issues precautionary safety advice for specific melons. Recuperado de <https://www.food.gov.uk/news-alerts/news/update-fsa-issues-precautionary-safety-advice-for-specific-melons?navref=search-news-alerts-news-2>

INOC.293.016.05.21062021



DIRECCIÓN DE SISTEMATIZACIÓN Y ANÁLISIS SANITARIO

Dinamarca: Vigilancia mediante la secuenciación del genoma completo de *Campylobacter*.



Recientemente, la revista científica *Eurosurveillance* publicó un artículo acerca de la implementación de la secuenciación del genoma completo de *Campylobacter* para la detección y vigilancia de brotes en Dinamarca.

De acuerdo con los investigadores, *Campylobacter* es una de las causas más frecuentes de gastroenteritis bacteriana y estos brotes rara vez se notifican, lo cual

demonstraría una vigilancia escasa ante estos casos. Por lo cual, buscaron demostrar que se pueden detectar numerosos pequeños grupos similares a brotes cuando se aplican datos de secuenciación del genoma completo.

Para esto, usaron los datos de Dinamarca durante el año 2019 para permitir la detección de grandes grupos de aislados clínicos y ver cuáles de estos tenía relación con los aislamientos de pollos; utilizando 701 aislamientos de *Campylobacter* y 164 en carne de pollo durante dicho año.

Posteriormente, determinaron que un tercio de los aislamientos clínicos coincidieron con aislamientos de carne de pollo, de estos el 12% fueron rastreados hasta un matadero donde se implementaron intervenciones para controlar el brote.

Como conclusión, determinaron que el seguimiento de los casos por genoma servirá para dar una rastreabilidad más completa y precisa de los brotes, lo cual también ayudará a evitar estos casos antes de que los alimentos sean distribuidos al público, lo que permitirá un mejor control de inocuidad de los alimentos y salvaguardar la salud pública.

Referencia: Joensen K., Schjørring S., Gantzhorn M., Nielsen H. (2021). Whole genome sequencing data used for surveillance of *Campylobacter* infections: detection of a large continuous outbreak, Denmark, 2019. *Eurosurveillance* https://www.eurosurveillance.org/content/10.2807/1560-7917.ES.2021.26.22.2001396?emailalert=true#html_fulltext

INOC.T23.007.03.2106.001