



AGRICULTURA
SECRETARÍA DE AGRICULTURA Y DESARROLLO RURAL



SENASICA
SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD,
INOCUIDAD Y CALIDAD AGROALIMENTARIA



Monitor Zoosanitario



13 DE AGOSTO DE 2020



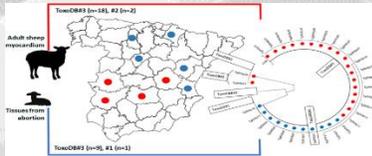
Monitor Zoonosario

Contenido

En España descubren el genotipo predominante del *Toxoplasma gondii* en ovejas..... 2

DIRECCIÓN DE SISTEMATIZACIÓN Y ANÁLISIS SANITARIO

En España descubren el genotipo predominante del *Toxoplasma gondii* en ovejas.



Plaga o enfermedad: *Toxoplasma gondii*

Especie afectada reportada: Ovinos

Localización: España

Clave (s) de identificación: ZOOT.122.001.03.13082020

El 09 de agosto de 2020, fue publicado un estudio sobre el descubrimiento del genotipo predominante de *Toxoplasma gondii* en los ovinos de España. Este artículo fue realizado por el Centro de Tecnologías Genómicas de la Universidad Complutense de Madrid, España, y publicado en la revista científica BMC.

Debido a que *Toxoplasma gondii* es una de las principales causas de aborto entre los pequeños rumiantes y presenta un riesgo zoonótico cuando se consume carne mal cocinada, este estudio tuvo como objetivo investigar la diversidad genética entre las cepas de *T. gondii* que circulan en el ganado ovino de España.

Para el estudio se utilizaron bioensayos en muestras recogidos en zonas con brotes de abortos debidos a esta enfermedad y ovejas adultas infectadas en diversas regiones de España para realizar el aislamiento. Posteriormente, se realizaron análisis de PCR-RFLP utilizando once marcadores moleculares y usando secuenciación de PCR-ADN utilizando las porciones de los genes SAG3, GRA6 y GRA7.

Como resultado se obtuvieron 30 aislamientos de 9 regiones españolas donde se encontraron tres genotipos ToxoDB#3 (variante PRU de tipo II) en el 90% (27/30) de los aislados; ToxoDB#2 (tipo III) en el 6,7% (2/30) y ToxoDB#1 (tipo II) en el 3,3% (1/30), posteriormente, de las 151 muestras se sometieron directamente al genotipo RFLP y el 98% de los especímenes pertenecían a la variante PRU de tipo II, dando este último como el predominante entre los tres genotipos encontrados.

Como conclusión se comentó que, este es el primer estudio que tiene como objetivo describir la población genética de *T. gondii* en España, y el examinar las muestras permitió aumentar la riqueza genética para la identificación otras variantes genéticas. Esto ayudará a incrementar los esfuerzos de genotipo y muestreo para una identificación más precisa la diversidad genética de *T. gondii*.

Fuente: BMC (Artículo científico).

Referencia: Fernández-Escobar, M., Calero-Bernal, R., Benavides, J. et al. Isolation and genetic characterization of *Toxoplasma gondii* in Spanish sheep flocks. *Parasites Vectors* 13, 396 (2020). <https://doi.org/10.1186/s13071-020-04275-z>